

重新查詢

友善列印

0981學期 課程基本資料

系所 / 年級	生資系 3年級	課號 / 班別	68U00073 / A
學分數	3學分	選 / 必修	必修
科目中文名稱	基礎計算分子生物學	科目英文名稱	Fundamental computational molecular biology
主要授課老師	呂威甫	開課期間	一學年之上學期
人數上限	60 人	已選人數	43人

起始週 / 結束週 / 上課地點 / 上課時間

第1週 / 第18週 / I221 / 星期1第03節
第1週 / 第18週 / I221 / 星期1第04節
第1週 / 第18週 / I221 / 星期1第98節

請各位同學遵守智慧財產權觀念；請勿非法影印。

教學綱要

一、教學目標(Objective) 分子生物學的快速發展衍生了許多的資訊科學的問題，傳統分子生物學的研究已經從實驗性的科學轉變成爲需要理論性的分析，而資訊科學因爲分子生物學問題的影響，也引發了新的研究方向。計算生物學是一門以資訊科學的角度來解決分子生物問題的學問，生物世界生化行爲的背後隱含著計算的規則，計算生物學試著從資訊科學的角度來探討生命現象的行爲。

二、先修科目(Pre Course) 離散數學、演算法、分子生物學、基因體學

三、教材內容(Outline) 書名：Introduction to Computational Molecular Biology 作者：Carlos Setubal, Joao Meidanis 出版社：PWS(高立代理)

四、教學方式(Teaching Method) 講授

五、參考書目(Reference) Computational Molecular Biology
Pavel A. Pevzner
The MIT Press
Biological Sequence Analysis : Probabilistic Models of Proteins and Nucleic Acids Richard Durbin,
Sean R. Eddy, Anders Krogh, Graeme Mitchison Cambridge University

2009/9/21	Introduction	呂威甫
2009/9/28	Sequce Comparison	呂威甫
2009/10/5	Sequce Comparison	呂威甫
2009/10/12	Sequce Comparison	呂威甫
2009/10/19	Database Search	呂威甫
2009/10/26	Fragment Assembly	呂威甫
2009/11/2	Fragment Assembly	呂威甫

六、教學進度(Syllabi)

2009/11/9 Fragment Assembly
2009/11/16 期中考
2009/11/23 Physical Mapping
2009/11/30 Physical Mapping
2009/12/7 Physical Mapping
2009/12/14 Phylogenetic Trees
2009/12/21 Phylogenetic Trees
2009/12/28 Genome Rearrangement
2010/1/4 Genome Rearrangement
2010/1/11 Genome Rearrangement
2010/1/18 期末考

呂威甫
呂威甫

七、評量方式(Evaluation)

出席10%、作業30%、期中考30%、期末考30%

八、講義位址(<http://>)

九、教育目標

重新查詢